

## محاسبه‌ی نامیزانی و میانگین گروه

چندی پیش یکی از همکاران با بیان این که ایشان با استفاده از نتیجه‌ی برنامه‌ی پایش کیفیت خارجی بیوشیمی، به روش زیر نامیزانی (Bias) ها را حساب کرده :

$$\text{Bias} = \frac{x - \text{mean}}{\text{mean}} \times 100$$

(که در آن x نتیجه‌ی آزمایشگاه و mean میانگین گروه در برنامه‌ی EQAP ) این که ایا این روش برای حساب کردن نامیزانی درست است یا نه نابلجا ندیدم که پاسخ به این پرسش را برای تالارگفتگو نیز بفرستم شاید برای همکاران جوان سودمند افتد.

اگر ما یک وزنه‌ی گرمی مطمئن را روی ترازوی الف بگذاریم و آن ترازو عدد بدهد چه خواهیم گفت؟ آیا می‌توانیم بگوئیم که ترازوی الف کاملاً میزان است؛ یعنی نامیزانی است؟ اگر نتیجه‌ی یکبار سنجش همان وزنه با ترازوی ب و پ به ترتیب باشد، ایا می‌توانیم بگوئیم که نامیزانی ترازوهای ب و پ به ترتیب - % %

اگر مطمئن بودیم که نوسان ترازوهای ما صفر است، یعنی هرچند بار هم که یک وزنه کنیم یک عدد یکسان را خواهیم دید، آنگاه می‌شد به هر سه پرسش بالا با اطمینان پاسخ "آری" ن بود که نامیزانی سه ترازوی بالا به ترتیب % - % % .

اما اگر ترازوی ما نوسان داشته باشد آنگاه دیگر نمی‌توان چنین ادعایی کرد. در صورت وجود نوسان، دیگر همه‌چیز به بخت و اقبال بسته : شاید ترازوی الف میزان نباشد و به طور اتفاقی این بار را نمایش داده است؛ شاید ترازوی ب میزان باشد و یا حتاشایبیه طرف بالای نامیزان باشد ولی این بار اتفاقی نمایش داده است؟ و ...

راه حل چیست؟ راهکار حل مشکل همانطور که می‌دانیم ساده است: هر جایی که یکدستی وجود ندارد و بنا بر این نمی‌توان فقط با یک داده در باره‌ی کل قضاوت کرد باید مجموعه‌ی مورد بررسی را هم زد و سپس به طور اتفاقی "نمونه" ای که بیش از یک انتخاب و بررسی کرد و از میانگین بررسی آن نمونه ی وضعیت کل داوری کرد.

بیش از یکی یعنی چندتا؟ پاسخ به این پرسش در خود کلمه‌ی "نمونه" . در نظر داشتن این نکته که این " " نمونه نماینده‌ی واقعی وضعیت کلی باشند راهنمای ما خواهد بود. و به سادگی روشن است که هرچه یکدستی مجموعه‌ی مورد نظر کمتر باشد، و نیز هرچه خواهیم برآورد ما قابل اطمینان باید تعداد اعضای نمونه‌ی ما بیشتر باشد. در آزمایشگاه برای این که برآورد مطمئنی داشته باشیم لازم است دست‌کم بار یک نمونه را بسنجیم تا بتوانیم میانگین آن را قابل قبولی از میانگین کل بدانیم.

**مثال:** به عنوان مثالی آزمایشگاهی، اگر ما نمونه‌ای را که مطمئن هستیم گلوکز آن است فقط یک بار بسنجیم و را به دست آوریم نمی‌توانیم به سدگی و بدون در نظر گرفتن نوسان ی مقدار نامیزانی این روش دآوری کنیم و نتیجه بگیریم که نامیزانی سنجش ما - % . تنها CV سنجش ما صفر بود می‌توانستیم چنین کنیم اما چون سنجش‌های ما هنوز ارمانی نیستند و نمی‌توانیم چنین کنیم.

CV این روش % باشد به ان معنا خواهد بود که اگرچه در حالی که دستگاه ما کاملا میزان میانگین تکرار سنجش بر روی نمونه‌ای با مقدار حقیقی ، دقیقا خواهد شد اما تک تک نتیجه‌ها نخواهد بود، بلکه نتیجه‌های دیده شده در اطراف میانگین‌شان یعنی کنده خواهند بود طوری که % ها در فاصله‌ی بین  $\pm 2CV$  خواه :

$$SD = CV \times \text{Mean} = 5\% \times 200 = 10$$

$$2 SD = 20$$

$$200 - 20 = 180$$

$$200 + 20 = 220$$

یعنی با چنین دستگاهی % از نتیجه‌های تکرار سنجش نمونه‌ای مقدار حقیقی بین 180 تا 220 خواه ( ای برابر ) البته گاهی هم نتیجه‌های پایینتر یا بالاتر دیده خواهد شد.

اگر دستگاه ما نامیزان باشد باز هم ی پراکندگی % نتیجه‌ها همین با این تفاوت که این بار پیرامون میانگین دیگری نوسان دارند. کنیم هنگام میزان کردن (کالیبراسیون) دستگاه به اشتباه به جای که عدد درست کالیبراتور بوده است وارد کرده باشیم. این یعنی این که دستگاه ما به اندازه ی % نامیزان است. چنین دستگاهی، اگر نمونه‌ی را چندین بار بسنجیم میانگین را به دست خواهیم آورد و خواهیم دید که % نتیجه‌ها در فاصله‌ی . برعکس، اگر هنگام میزان کردن دستگاه به اشتباه عدد را وارد کرده باشیم نامیزانی - % میانگین حاصل از تکرار این نمونه خواهد بود % از نتیجه‌ها در فاصله‌ی خواهند بود. بیایید عددهای مربوط به این سه وضعیت را مرتب کنیم:

- ی % برای نامیزانی %: ۱۸۸

- ی % برای دستگاه کاملا میزان:

- ی % برای نامیزانی - %: ۲۱۲

همانطور که می‌بینیم این سه محدوده همپوشانی زیادی دارند و انتظار عددهایی بین یک بار سنجش نمونه‌ای با مقدار حقیقی برای هر سه دستگاه عاقلانه است. با این حساب اگر

یک بار سنجیدیم و به دست آ ( ) نمی‌توانیم در باره‌ی میزان بودن/ هیچ قضاوتی بکنیم و به هیچ عنوان نمی‌توانیم مقدار نامیزانی را حساب کنیم.

به این ترتیب پاسخ به پرسش آغاز این نوشته نیز روشن می : چون ما نمونه‌های EQAP یک بار می‌سنجیم و چون روش‌های ما نوسان دارند، این روش برای حساب کردن نامیزانی درست نیست. اگر می‌خواهیم خودمان را با میانگین همگروه مقایسه کنیم، باید نمونه‌ی EQAP کم بسنجیم، از آن میانگین بگیریم و سپس از رابطه‌ی زیر نامیزانی را حساب کنیم:

$$\text{Bias} = \frac{\text{mea}}$$

از همه‌ی این‌ها می‌رسیم به تعریف سرراست "نامیزانی" که چنین است: مقدار اختلاف بین میانگین حاصل از تکرار سنجش به تعداد زیاد با یک مقدار حقیقی.

### چند نکته:

▪ برای حساب کردن نامیزانی، باید میانگین خودمان را با یک مقدار حقیقی مقایسه کنیم. این مقدار حقیقی باید با استفاده از ها / یا مرجع تعیین شده باشند و قابل ردیابی (Traceable) به روش قطعی / یا ی مرجع اولیه . ی مورد استفاده برای ارزیابی نامیزانی دارای چنین ویژگی‌هایی :

➤ می‌توانیم روش‌هایمان را نسبت به روش‌های مرجع بین‌المللی میزان کنیم؛

➤ هایی که برای بیماران گزارش می‌کنیم قابل ردیابی به روش‌های مرجع خواهند

➤ های به دست آمده از آزمایشگاه‌ها و روش‌های گوناگون قابل مقایسه با یکدیگر خواهند بود و به اصطلاح تبادل‌پذیر (Commutable) خواهند بود؛

➤ و در نتیجه پزشکان می‌توانند نتیجه‌های ما را بر پایهی آنچه که در منابع مرجع بین‌المللی می‌خوانند تفسیر کرده و به کار برند.

▪ خودمان را در برابر میانگین گروه بررسی کنیم و نسبت به آن میزان باشیم، فقط می‌توانیم مطمئن باشیم که "هماهنگ" با اکثریت گروه هستیم (Harmonized). ولی این که آیا میانگین گروه همان "مقدار حقیقی" است یا نه، نامشخص است.

- اگر پیش از شروع به شرکت در برنامه‌ی پایش کیفیت خارجی، ابتدا همای آزمایشگاه‌ها در برنامه‌ی "یکسان‌سازی" شرکت کنند (Standardization) و در آن برنامه همه در برابر نمونه‌هایی با مقدار حقیقی میزان نیز چنین نمونه‌هایی  
مثلا سالی یک بار برای آزمایشگاه‌ها فرستاده شود تا میزان ها بررسی و نگهداری شود؛ آنگاه می‌تواند پایش کیفیت خارجی شرکت کرد تا در فاصله‌ی بین فرستادن نمونه‌های با مقدار حقیقی، از میانگین گروه بی‌ی بررسی نامیزانی استفاده کرد. البته به شرط آنکه \* توجه به این که \*\*:

\* به شرط آنکه همانطور که در بالا آمد نمونه‌ی EQAP بارها سنجید نتیجه‌ها میانگین گرفته شود

\*\* و با توجه به این که نامیزانی بررسی شده فقط مربوط محدودی نزدیک به ی کنترل است و نمی‌توان آن را به همای گستره‌ی سنجش تعمیم میانگین گروه EQAP برای گلوکز برابر باشد و میانگین تکرار سنجش ما بر روی آن فقط می‌توانیم نسبت به مقدار نامیزانی (%) ی جواب‌های بالا مطمئن باشیم و نمی‌توانیم با استناد به آن ی نامیزانی این روش در سنجش نمونه‌های دارای گلوکز طبیعی یا پایین قضاوت کنیم.

- برای دانستن نامیزانی در سراسر گستره‌ی سنجش، باید دستکم در یک فاصله‌ی زمانی روزانه حدود تا از نمونه‌های تازمی بیماران را انتخاب کنیم و از هر مرجع و روش خودمان به فاصله‌ی زمانی کمی از یکدیگر بسنجیم. جمع تعداد نمونه‌ها باید کم تا بشود و همچنین طوری انتخاب شوند که در سراسر گستره‌ی سنجش از مقادیر غیرطبیعی پایین تا طبیعی و تا مقادیر غیر بیعی بالا گسترده باشند. سپس همبستگی نتیجه‌های حاصل از دو روش با استفاده از محاسبه‌ی رگرسیون به دست آوریم چنانچه ضریب همبستگی بیش از بود از معادله‌ی خط همبستگی برای حساب کردن نامیزانی در سطوح تصمیم‌گیری بالینی استفاده کنیم. اگر همبستگی مناسب نبود باید برای هر سطح تصمیم‌گیری بالینی جداگانه د نمونه‌ی نزدیک به آن سطح را بسنجیم و چنانچه آزمون t وجود اختلاف را تایید کرد آنگاه با استفاده از اختلاف میانگین‌های دو روش، نامیزانی هر سطح را حساب کنیم.

- به عنوان راهکاری عملی، اگر بنا داریم که نامیزانی یک یا چند تا از روش‌هایمان را نسبت به گروه‌مان بسنجیم، می‌توانیم سنجش آن آنالیت‌ها را روی نمونه‌ی EQAP بیش از یک بار انجام دهیم؛ مثلا اگر می‌خواهیم نامیزانی کلسترول را بررسی کنیم و روش CV کوچکی %، می‌توانیم با بار سنجش کلسترول، میانگین قابل قبولی داشته و باشیم و از اختلاف آن با میانگین گروه برآورد قابل قبولی از نامیزانی خودمان داشته باشیم.

- با ترکیب نتیجه‌ی یک بار سنجش ماده‌ی کنترل EQAP CV می‌توانیم گستره‌ی را که نامیزانی ما با یک احتمال معین در آن تعیین کنیم.

مثلا اگر نتیجه‌ی یک بار سنجش سدیم نمونه‌ی EQAP در آزمایشگاه ما CV می‌توانیم با احتمال % مطمئن باشیم که اگر این نمونه را به تعداد زیاد تکرار می‌کردیم میانگین سنجش ما جایی در گستره‌ی 2CV قرار می‌گیرد:

$$SD = CV \times X = 10\% \times 150 = 15$$

$$2 SD = 30$$

$$150 - 30 = 120$$

$$150 + 30 = 180$$

با فرض این که میانگین گروه شده است؛ اگر میانگین ما کمترین مقدار یعنی آنگاه نامیزانی ما برابر - % خواهد شد و اگر میانگین ما بیشترین مقدار یعنی نامیزانی ما % خواهد بود. یعنی با یک بار سنجش نمونه می‌توانیم چنین نتیجه بگیریم که نامیزانی ما برای این روش به احتمال % مقداری است بین - % .%

اگر روش بهتری داشتیم که CV % بود و همین نتیجه‌ی را در مقابل نتیجه‌ی برای میانگین گروه به دست آورده بودیم، آنگاه می‌توانستیم چنین نتیجه بگیریم که نامیزانی ما برای این روش به احتمال % مقداری است بین - % .% بسته به دلیل کوچک بودن CV .

CV % به جای یک بار نمونه را بار بسنجیم و میانگین بگیریم ی ما بسیار کوچکتر می‌شود چون با n بار تکرار و میانگین گرفتن، CV روش به رادیکال n تقسیم می‌شود؛ در مورد این مثال CV % به رادیکال تقسیم می‌می . چنانچه میانگین می‌توانیم چنین نتیجه بگیریم که نامیزانی ما برای این روش به احتمال % مقداری است بین - % تا - % . همانطور که می‌بینیم این بار به دلیل این که هم CV روش کم بود و هم از میانگین ه کردیم، می‌توانیم اطمینان بالایی داشته باشیم که روش بین % ما به طرف پایین نامیزان است و باید برای میزان کردن آن اقدام کنیم.

■ **نکته‌ی اخراين که:** برای این که یک برنامه‌ی پایش کیفیت خارجی بتواند در ارزیابی عملکرد ما کمک کند باید:

- در هر بار بیش از یک نمونه بفرستد؛ مثلا همانند CLIA هر بار
- به جای استفاده از انحراف معیار گروه برای قضاوت در باری چگونگی کارکرد آزمایشگاه‌ها، از مرزهای پذیرشی که بر اساس خطای کل مجاز تعیین شده استفاده کند؛ و
- دستکم هر چند گاه یکبار و دستکم برای انالیته‌های مهمی مانند A1C، به جای نمونه‌ی کنترل تجاری نمونه‌ی تازوی بیمار که با روش‌های مرجع قابل ردیابی به

همواد مرجع بین لی تعیین مقدار شده بفرستد تا بتوان کارکرد همه‌ی  
ها و کیت‌ها را در مقابل یک مرجع معتبر ارزیابی کرد.

مثلا کراتینین سرم تازه‌ی بیمار را با روش IDMS تعیین کند (فرض کنیم نتیجه‌ی  
سنجش، یعنی مقدار حقیقی) بعد از آن نمونه‌ها را به شکل فریز شده و بدون  
هیچگونه پردازش دیگری به سرعت به آزمایشگاهها برساند. مثلا با ملاک قرار  
CLIA TEa برای کراتینین که % برای مقادیر بالای است نتیجه‌های بین  
را پذیرفته بداند. برای پذیرفتن عملکرد آزمایش هیچ کاری به این که  
دستگاه و یا کیت ما چه و چه است، و میانگین گروه و CV نداشته .

حسن بیات